

Épidémiologie du virus du syndrome reproducteur et respiratoire porcin (SRRP) dans les troupeaux porcins, un programme de recherche en soutien aux projets de contrôle du SRRP

► Sylvie D'Allaire, Université de Montréal

Les objectifs principaux de ce projet de recherche sont de développer et d'appliquer une nouvelle méthodologie intégrant des données moléculaires et traditionnelles pour évaluer les différents aspects de la dynamique de transmission du SRRP en utilisant une approche multidisciplinaire.

Résumé du projet

Dans ce projet, les chercheurs :

- évalueront différents algorithmes disponibles pour classifier les souches du virus du SRRP en grappes génétiques en vue d'identifier la source la plus probable de la contamination récente d'un troupeau à partir de données de séquençage provenant de troupeaux commerciaux.
- évalueront la dispersion spatiale et temporelle des souches du virus du SRRP à partir de séquences et compareront les résultats entre les régions avec ou sans projets de contrôle du SRRP.
- développeront une approche pour évaluer la source la plus probable d'introduction du virus (même fournisseur d'animaux, partage d'employés, transmission par l'air, etc.) dans un troupeau à partir de données de séquençage et épidémiologiques.
- développeront un système de géolocalisation automatisé interactif qui intégrerait les séquences ainsi que la recherche de liens épidémiologiques et spatiaux entre les fermes contaminées. Ce système pourrait être utilisé pour trouver la source potentielle d'introduction d'une nouvelle souche sur les fermes.

Collaborateurs

Julie Arsenault
Marie-Ève Lambert

Zvonimir Poljak

Université
de Montréal

Université de Guelph

