



Dynamiques de l'infection causée par la grippe dans les populations porcines

► Zvonimir Poljak, Université de Guelph

L'objectif principal de ce projet est de comprendre l'épidémiologie des virus de la grippe chez le porc et de concevoir des stratégies optimales de contrôle et de surveillance aux échelles des troupeaux et des régions.

Résumé du projet

Au cours de ce projet, les chercheurs travailleront à :

- déterminer la séquence complète des nucléotides des virus de l'influenza qui circulent présentement chez le porc; ceci afin de comprendre les tendances à grande échelle et l'étendue de la variabilité des virus de la grippe porcine au fil du temps dans des systèmes de production représentatifs. Ce travail implique :
 - une évaluation par bâtiment des modèles de transmission de la grippe porcine dans des troupeaux multisources logés en pouponnière tout plein – tout vide,
 - une évaluation de la transmission des virus de la grippe porcine des truies aux porcelets non sevrés, et
 - une analyse en profondeur des génotypes de la grippe porcine qui circulent couramment dans les populations.
- Développer un système de détection en temps réel des crises (à partir de méthodes statistiques), et tester différents systèmes de surveillance et d'échantillonnage.

Collaborateurs

Rob Deardon
Robert Friendship
Eva Nagy

Université
de
Guelph